世界知的所有権機関 国 際 事 務 局

特許協力条約に基づいて公開された国際出願



(51) 国際特許分類6 A61K 38/18 // C21N 15/12, C07K 14/495

(11) 国際公開番号 A1 WO00/07614

(43) 国際公開日

2000年2月17日(17.02.00)

(21) 国際出願番号

PCT/JP99/04171

(22) 国際出願日

1999年8月2日(02.08.99)

(30) 優先権データ

特願平10/221886 特願平11/29164 1998年8月5日(05.08.98)

1999年2月5日(05.02.99)

(71) 出願人 (米国を除くすべての指定国について) 大塚製薬株式会社

(OTSUKA PHARMACEUTICAL CO., LTD.)[JP/JP]

〒101-8535 東京都千代田区神田司町2丁自9番地 Tokyo, (JP)

(72) 発明者;および

(75) 発明者/出願人(米国についてのみ)

堀江正人(HORIE, Masato)[JP/JP]

〒772-0051 徳島県鳴門市鳴門町髙島字南261 Tokushima, (JP)

平野尚伸(HIRANO, Hisanobu)[JP/JP]

〒771-0212 徳島県板野郡松茂町中喜来字福有開拓77-18

Tokushima, (JP)

急式弘之(KYUSHIKI, Hiroyuki)[JP/JP]

〒771-0117 徳島県徳島市川内町鶴島377-1-1301

Tokushima, (JP)

光本泰秀(MITSUMOTO, Yasuhide)[JP/JP]

〒770-0861 徳島県徳島市住吉6丁目6-33-601 Tokushima, (JP)

森 厚詞(MORI, Atsushi)[JP/JP]

〒770-0861 徳島県徳島市住吉4丁目9-3-605 Tokushima, (JP)

渡部昭仁(WATANABE, Akihito)[JP/JP]

〒771-0144 徳島県徳島市川内町榎瀬669-13 Tokushima, (JP)

(74) 代理人

弁理士 三枝英二,外(SAEGUSA, Eiji et al.)

〒541-0045 大阪府大阪市中央区道修町1-7-1

北浜TNKビル Osaka, (JP)

(81) 指定国 AU, CA, CN, KR, MX, US, 欧州特許 (AT, BE, CH, CY, DE, DK, ES, FI, FR, GB, GR, IE, IT, LU, MC, NL, PT,

SE)

添付公開書類

国際調査報告書

(54) Title: REMEDIES FOR NERVE DEGENERATION DISEASES

(54)発明の名称 神経変性疾患治療剤

(57) Abstract

Drugs exhibiting a therapeutic effect on nerve degeneration diseases such as Parkinson's disease, Alzheimer's disease, muscular hypoplastic lateral sclerosis, Huntington's disease, brain infarction and traumatic nerve degeneration, characterized by containing a protein containing the amino acid sequence represented by SEQ ID NO:1 as the active ingredient.

(57)要約

本発明は、パーキンソン病、アルツハイマー病、筋発育不全性側索硬化症、ハンチントン病、脳梗塞、外傷性神経変性疾患などの神経変性疾患に対する治療効果を奏する薬剤であって、配列番号:1で示されるアミノ酸配列を含む蛋白質を有効成分として含有することを特徴とする神経変性疾患治療剤を提供する。

PCTに基づいて公開される国際出願のパンフレット第一頁に掲載されたPCT加盟国を同定するために使用されるコード(参考情報)

AE アラブ首長国連邦 AL アルバニア	DM ドミニカ EE エストニア	KZ カザフスタン LC セントルシア	RU ロシア SD スーダン
AM アルメニア	ES スペイン	LI リヒテンシュタイン	SE スウェーデン
AT オーストリア_	FI フィンランド	LK スリ・ランカ	SG シンガボール
AU オーストラリア	FR フランス	LR リベリア	SI スロヴェニア
ス アゼルバイジャン	GA ガボン	LS VYL	SK スロヴァキア
BA ボズニア・ヘルツェゴビナ	GB 英国	LT リトアニア	SL シエラ・レオネ SN セネガル
B バルバドス	GD グレナダ GE グルジア	LU ルクセンブルグ LV ラトヴィア	SN セネガル SZ スワジランド
IE ベルギー	GE グルジア GH ガーナ	MA モロッコ	TD チャード
BF ブルギナ・ファソ	GM ガンピア	MA モロッコ MC モナコ	TG トーゴー
BG ブルガリア	GN X=r	MD モルドヴァ	T] タジキスタン
3亅 ベナン 3R ブラジル	GW ギニア・ビサオ	MG マダガスカル	TZ タンザニア
IR ブラジル IY ベラルーシ	GR ギリシャ	MG マケドニア旧ユーゴスラヴィア	TM トルクメニスタン
A カナダ	HR DOTET	共和国	TR トルコ
ア 中央アフリカ	HC ハンガリー	ML マリ	TT トリニダッド・トバゴ
	ID インドネシア	MN モンゴル	ŮA ウクライナ
CG コンゴー CH スイス	ID インドネシア IE アイルランド	MR モーリタニア	ŬĠ ウガンダ
1 コートジボアール	IL イスラエル	MW マラウイ	UG ウガンダ US 米国
M カメルーン	IN インド	MX メキシコ	ひえ ウズベキスタン
N 中国	IS アイスランド	NE ニジェール	VN ヴィェトナム
R コスタ・リカ・	IT イタリア	NL オランダ	YU ユーゴースラピア
し キューバ	JP 日本	NO ノールウェー	2A 南アフリカ共和国
Y キプロス	KE ケニア	N2 ニュー・ジーランド	ZW ジンパプエ
2 チェッコ	KG キルギスタン	PL ボーランド	
DE ドイツ	KP 北朝鮮	PT ポルトガル	
DK デンマーク	KR 韓国	RO ルーマニア	

明 細 書神経変性疾患治療剤

技術 分野

本発明は、神経変性疾患治療剤に関する。

<u>背</u> 景 技 術

初代培養ドパミン神経細胞に対して神経栄養因子様効果を示すペプチド性因子の代表的なものに、GDNF (glial cell line-derived neurotrophic factor)、BDNF (brain-derived neurotrophic factor)、

- 10 b F G F (basic fibroblast growth factor)、E G F (epidermal growth factor)などがある。特に、G D N F はこの中で最も強力なドパミン神経細胞に対する栄養因子であり、黒質線条体ドパミン神経の変性脱落を伴うパーキンソン病に対する治療効果が期待されている。
- 15 しかしながら、上記ペプチド性因子などの医薬用途へ の適用やこれによる薬理効果の研究は、始まったばかり であり、いまだ充分なデータは蓄積されておらず、それ らの治療剤としての有効性についても殆ど報告はない。

上記GDNFなどの培養ドパミン神経細胞に対して神20 経栄養因子的に作用するペプチド性因子と相同性を有する他の蛋白質などが新たに見出されれば、之等は上記パーキンソン病を始めとする神経変性疾患に対する治療薬

としての臨床応用が期待できる。

本発明者らは、以上の観点から、上記ペプチド性因子の同効物乃至これらと相同性を有する他の蛋白質などの研究、開発と共に、それらの有する薬理活性につき、従来より鋭意研究を重ねてきた。

その過程で、以前にヒト胎児脳 c D N A ライブラリーから新たに単離した、膜蛋白質 (transmembrane protein) 遺伝子TMP-2を保有するクローン (「G E N - 0 9 2 E 1 0」と命名、特開平 9 - 3 0 8 4 9 2 号公報、米国 10 特許第 5 8 3 1 0 5 8 号明細書参照)から、該遺伝子の特定部分を発現させ、その発現産物について、初代培養ラット中脳ドパミン神経細胞の生存維持に対する効果を検討した結果、これが該神経細胞の生存促進効果を奏し得、従って、神経変性疾患治療効果を奏し得ることを見出し た。本発明は、かかる知見に基づいて完成されたものである。

発明の開示

本発明によれば、(a)配列番号:1で示されるアミノ酸配列の蛋白質(以下「TMP-2蛋白質」という)
20 の34-318アミノ酸配列部分を含む発現物及び(b)
TMP-2蛋白質の34-318アミノ酸配列において
1又は複数のアミノ酸が欠失、置換又は付加されたアミ

ノ酸配列部分を含む発現物から選ばれる少なくとも1種の有効成分の有効量を、製剤担体と共に含有することを特徴とする神経変性疾患治療剤が提供される。

特に本発明によれば、上記有効成分がTMP-2蛋白 質の34-318アミノ酸配列の発現物である神経変性 疾患治療剤、同有効成分がTMP-2蛋白質の34-318アミノ酸配列のC末端にヒスチジン6残基を結合 させたものである神経変性疾患治療剤及び同有効成分が TMP-2蛋白質の34-318アミノ酸配列のN末端 10 にマルトース結合蛋白質を融合させたMBP-TMP-2融合蛋白質である神経変性疾患治療剤が提供される。

また、本発明によれば、パーキンソン病、アルツハイマー病、筋発育不全性側索硬化症、ハンチントン病、脳梗塞、糖尿病性神経症及び外傷性神経変性疾患の治療に用いられる上記神経変性疾患治療剤が提供される。

更に、本発明によれば、(a) TMP-2蛋白質の 34-318アミノ酸配列部分を含む発現物及び(b) TMP-2蛋白質の34-318アミノ酸配列において 1又は複数のアミノ酸が欠失、置換又は付加されたアミノ酸配列部分を含む発現物から選ばれる少なくとも1種の有効成分の有効量を、処置を要求される患者に投与することを特徴とする神経変性疾患の治療方法が提供され

る。

5

上記治療方法において、特に好ましい有効成分としては、TMP-2蛋白質の34-318アミノ酸配列の発現物;TMP-2蛋白質の34-318アミノ酸配列のC末端にヒスチジン6残基を結合させたもの;及びTMP-2蛋白質の34-318アミノ酸配列のN末端にマルトース結合蛋白質を融合させたMBP-TMP-2融合蛋白質を挙げることができる。

更に、本発明によれば、(a) TMP-2蛋白質の 34-318アミノ酸配列部分を含む発現物及び(b) TMP-2蛋白質の34-318アミノ酸配列において 1又は複数のアミノ酸が欠失、置換又は付加されたアミノ酸配列部分を含む発現物から選ばれる少なくとも1種の有効成分の、神経変性疾患治療剤の製造のための使用 が提供できる。

該使用に特に適した有効成分としては、TMP-2蛋白質の34-318アミノ酸配列の発現物;TMP-2蛋白質の34-318アミノ酸配列のC末端にヒスチジン6残基を結合させたもの;及びTMP-2蛋白質の34-318アミノ酸配列のN末端にマルトース結合蛋白質を融合させたMBP-TMP-2融合蛋白質を挙げることができる。

本明細書におけるアミノ酸、ペプチド、塩基配列、核酸などの略号による表示は、IUPAC、IUBの規定、「塩基配列又はアミノ酸配列を含む明細書などの作成のためのガイドライン」(特許庁編)及び当該分野における慣用記号に従うものとする。

以下、本発明治療剤において有効成分とするTMP-2蛋白質、及びその製造に利用するTMP-2遺伝子 (以下「本発明遺伝子」という)につき詳述する。

本発明遺伝子の一具体例としては、後述する実施例 1
10 に示されるクローンGEN-092E10の有する
DNA配列から演繹されるものを挙げることができる。
該クローンは、配列番号:1に示されるアミノ酸配列を
コードする配列番号:2に示されるヌクレオチド(核酸)
のオープンリーディングフレームを含む、配列番号:3
15 の塩基配列を有している。その計算された分子量は、後
記実施例に示されるとおりである。

本発明遺伝子は、例えば配列番号:2に示されるように一本鎖DNA配列で表されるが、かかる一本鎖DNA配列にもない。かかる一本鎖DNA配列に相補的なDNA配列やこれらの両者を含むコンポ20 ーネントであってもよい。尚、配列番号:2に示す本発明遺伝子の配列は、これによりコードされる各アミノ酸残基を示すコドンの一つの組合わせ例であり、本発明遺

伝子はこれに限らず、各アミノ酸残基に対して任意のコドンを組合わせ選択したDNA配列を有することも勿論可能である。 該コドンの選択は常法に従うことができ、例えば利用する宿主のコドン使用頻度を考慮することができる [Ncl. Acids Res., 9, 43-74 (1981)]。

本発明遺伝子には、上記で示されるアミノ酸配列の一部のアミノ酸乃至アミノ酸配列を置換、欠失、付加などにより改変してなり、同様の機能を有する同効物(ペプチド)をコードするDNA配列も包含される。これらペプチドの製造、改変(変異)などは天然に生じることもあり、また翻訳後の修飾により収得することができる。また、これらのペプチドは、遺伝子工学的手法により天然の遺伝子(本発明遺伝子)を、例えばサイトスペシフィック・ミュータゲネシス〔Methods in Enzymology、

- 15154, p350, 367-382 (1987); 同100, p468 (1983);Nucleic Acids Research, 12, p9441 (1984); 続生化学実験講座1「遺伝子研究法II」、日本生化学会編, p105(1986) 〕などの方法により改変したり、リン酸トリエステル法やリン酸アミダイト法などの化学合成手段〔J.
- 20 Am. Chem. Soc., <u>89</u>, p4801 (1967); 同<u>91</u>, p3350 (1969); Science, <u>150</u>, p178 (1968) ; Tetrahedron Lett., <u>22</u>, p1859 (1981); 同<u>24</u>, p245 (1983)] により変異させて

得られるDNAを用いて収得することもでき、これら手 段の組合せにより収得することもできる。

本発明遺伝子は、次の如くして単離される。即ち、ヒト胎児脳、成人血管、胎盤などの各種組織より抽出した m R N A より c D N A を合成し、これをベクターに組込んでライブラリーを構築し、該ライブラリーでトランスフォームした大腸菌コロニーを寒天培地上に形成させ、該コロニーをランダムにピックアップして96ウェルマイクロプレートに移し、ヒト遺伝子を含む多数の大腸菌10 クローンを得る。

得られる各クローンを少量培養後、DNAを抽出精製し、抽出した c DNAを鋳型としてデオキシターミネーター法により4種の塩基特異的に停止する伸長反応を行い、自動DNAシークエンサーにより、遺伝子の 5 、末 端から約400塩基配列を決定する。かくして得られる塩基配列情報について、公知の動植物種に類似性を有するファミリー遺伝子を検索する。

上記 c D N A 解析方法については、藤原らにより細述されている(藤原 力、細胞工学、14、645-654(1995))。

20 本発明遺伝子は、例えばこれを微生物のベクターに組 込み、形質転換された微生物を培養することによって、 該遺伝子でコードされる蛋白質を容易にかつ安定して発 現できる。

本発明遺伝子の製造は、より詳しくは、本発明によって開示された本発明遺伝子についての配列情報に基づいて、一般的遺伝子工学的手法により容易に実施できる

5 [Molecular Cloning 2nd Ed, Cold Spring Harbor Laboratory Press (1989);続生化学実験講座「遺伝子研究法I、II、III」、日本生化学会編(1986)など参照〕。

これは、例えばヒト c D N A ライブラリー(各遺伝子の発現される適当な起源細胞より常法に従い調製された 10 もの)から、本発明遺伝子に特有の適当なプローブや抗体を用いて所望クローンを選択することにより実施できる〔Proc. Natl. Acad. Sci., USA, 78, 6613 (1981); Science, 222, 778 (1983)など〕。

上記方法において、起源細胞としては、目的の遺伝子 15 を発現する各種の細胞、組織やこれらに由来する培養細 胞などが例示され、これからの全RNAの分離、

mRNAの分離や精製、cDNAへの変換(合成)とそのクローニングなどはいずれも常法に従い実施できる。

また、 c D N A ライブラリーは市販されてもおり、本発
20 明においてはそれら c D N A ライブラリー、例えばクローンテック社 (Clontech Lab. Inc.) より市販の各種 c D N A ライブラリーなどを用いることもできる。

c D N A ライブラリーからの本発明遺伝子のスクリーニングは、前記通常の方法に従い実施できる。該スクリーニング法としては、例えば c D N A の産生する蛋白質に対して、該蛋白質特異抗体を使用した免疫的スクリー 5 ニングにより、対応する c D N A クローンを選択する プローン を選択する プローン を選択的に結合するプローブを用いたプラークハイブリダイゼーション、コロニーハイブリダイゼーションなどやこれらの組合せを例示できる。ここで用いられるプローブとしては、本発明遺伝子のD N A 配列に関する情報をもとにして化学合成された D N A 配列などが一般的であり、勿論既に取得された本発明遺伝子やその断片もかかるプローブとして利用できる。

更に各細胞、組織より抽出、単離精製された天然抽出 15 物の部分アミノ酸配列情報に基づき、センス・プライマ ー、アンチセンス・プライマーをスクリーニング用プロ ーブとして用いることもできる。

また、本発明遺伝子の取得に際しては、PCR法
[Science, 230, 1350-1354 (1985)] によるDNA/
20 RNA増幅法が好適に利用できる。殊にライブラリーから全長のcDNAが得られ難いような場合に、レース法
(RACE: Rapid amplification of cDNA ends:実験医学、

12(6), 35-38 (1994))、殊に5´レース (5'RACE) 法 (Frohman, M. A., et al., Proc. Natl. Acad. Sci., USA., 8, 8998-9002(1988))の採用が好適である。かかるPCR 法の採用に際して使用されるプライマーは、既に本発明によって明らかにされた本発明遺伝子の配列情報に基づいて適宜設定することができ、これは常法に従い合成することができる。

尚、増幅させたDNA/RNA断片の単離精製は前記のとおり常法に従うことができ、例えばゲル電気泳動法10 などによればよい。

上記で得られる本発明遺伝子或は各種 D N A 断片などの塩基配列の決定も、常法に従うことができ、例えばジデオキシ法 [Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 74, 5463-5467 (1977)] やマキサムーギルバート法 [Methods in

Enzymology, <u>65</u>, 499 (1980)〕などにより行うことができる。かかる塩基配列の決定は、市販のシークエンスキットなどを用いても容易に行い得る。

本発明遺伝子の利用によれば、通常の遺伝子組換え技術 [例えば、Science, <u>224</u>, p1431 (1984); Biochem.

20 Biophys. Res. Comm., <u>130</u>, p692 (1985); Proc. Natl. Acad. Sci., USA, <u>80</u>, p5990 (1983)及び前記引用文献など参照〕に従い、組換え体蛋白質を得ることができる。

該蛋白質の製造は、より詳細には、本発明遺伝子が宿主細胞中で発現できる組換えDNAを作成し、これを宿主細胞に導入して形質転換し、該形質転換体を培養することにより行われる。

5 ここで宿主細胞としては、真核生物及び原核生物のいずれも用いることができる。該真核生物の細胞には、脊椎動物、酵母などの細胞が含まれ、脊椎動物細胞としては、例えばサルの細胞であるCOS細胞〔Cell, 23,

175-182 (1981)〕やチャイニーズ・ハムスター卵巣細胞
10 及びそのジヒドロ葉酸レダクターゼ欠損株 [Proc. Natl.
Acad. Sci. USA, 77, 4216-4220 (1980)〕などがよく用いられているが、これらに限定される訳ではない。

育権動物の発現ベクターとしては、通常発現しようとする遺伝子の上流に位置するプロモーター、RNAのスプライス部位、ポリアデニル化部位及び転写終了配列などを保有するものを使用でき、これは更に必要により複製起点を有していてもよい。該発現ベクターの例としては、例えばSV40の初期プロモーターを保有するpSV2dhfr(Mol.Cell.Biol.,1,854(1981)〕などを例示できる。また、真核微生物としては、酵母が一般によく用いられ、中でもサッカロミセス属酵母を有利に利用できる。該酵母などの真核微生物の発現ベクタ

ーとしては、例えば酸性ホスフアターゼ遺伝子に対する プロモーターを有する p A M 8 2 [Proc. Natl. Acad. Sci., USA, 80, 1-5 (1983)] などを利用できる。

また、本発明遺伝子の発現ベクターとしては、原核生物遺伝子融合ベクターを好ましく利用することができ、 該ベクターの具体例としては、例えば分子量26000 のGSTドメイン (S. japonicum 由来) を有するpGE X-2TKやpGEX-4T-2などを例示できる。

原核生物の宿主としては、大腸菌や枯草菌が一般によ く用いられる。これらを宿主とする場合、例えば該宿主 10 菌中で複製可能なプラスミドベクターを用い、このベク ター中に本発明遺伝子が発現できるように該遺伝子の上 流にプロモーター及びSD(シヤイン・アンド・ダルガ 一ノ)塩基配列、更に蛋白質合成開始に必要な開始コド ン(例えばATG)を付与した発現プラスミドを利用す るのが好ましい。上記宿主としての大腸菌としては、エ シエリヒア・コリ(Escherichia coli) K 1 2 株などがよ く用いられ、ベクターとしては一般にpBR322及び その改良ベクターがよく用いられるが、これらに限定さ れず公知の各種の菌株及びベクターをも利用できる。プ 20 ロモーターとしては、例えばトリプトファン(trp)プ ロモーター、lppプロモーター、lacプロモーター、

PL/PRプロモーターなどを使用できる。

かくして得られる所望の組換えDNAの宿主細胞への 導入方法及びこれによる形質転換方法としては、一般的 な各種方法を採用できる。また得られる形質転換体は、 常法に従い培養でき、該培養により本発明遺伝子により コードされる目的の蛋白質が生産、発現される。該培養 に用いられる培地としては、採用した宿主細胞に応じて 慣用される各種のものを適宜選択利用でき、その培養も 宿主細胞の生育に適した条件下で実施できる。

10 上記により、形質転換体の細胞内、細胞外乃至は細胞膜上に目的とする組換え蛋白質が発現、生産、蓄積乃至分泌される。

上記組換え蛋白質は、所望により、その物理的性質、化学的性質などを利用した各種の分離操作〔「生化学デ15 ーターブックII」、1175-1259 頁、第1版第1刷、1980年 6月23日株式会社東京化学同人発行;Biochemistry、25(25)、8274-8277 (1986); Eur. J. Biochem. 163、313-321 (1987) など参照〕により分離、精製できる。該方法としては、具体的には例えば通常の再構成処理、蛋白20 沈澱剤による処理(塩析法)、遠心分離、浸透圧ショック法、超音波破砕、限外濾過、分子篩クロマトグラフィー、イオン交換

クロマトグラフィー、アフィニティクロマトグラフィー、高速液体クロマトグラフィー(HPLC)などの各種液体クロマトグラフィー、透析法、これらの組合せなどを例示でき、特に好ましい上記方法としては所望の蛋白質を結合させたカラムを利用したアフィニティクロマトグラフィーを例示できる。

尚、本発明によって明らかにされた本発明遺伝子の配列情報を基にすれば、例えば該遺伝子の一部又は全部の塩基配列を利用することにより、各種ヒト組織における本発明遺伝子の発現の検出を行うことができる。これは常法に従って行うことができ、例えばRT-PCR(Reverse transcribed-Polymerase chain reaction)
(Kawasaki, E.S., et al., Amplification of RNA. In PCR Protocol, A Guide to methods and applications,

Academic Press, Inc., SanDiego, 21-27(1991))によるRNA増幅により、またノーザンブロッティング解析
(Molecular Cloning, Cold Spring Harbor Laboratory
(1989))などにより、いずれも良好に実施し得る。

前記PCR法を採用する場合において、用いられるプ 20 ライマーは、本発明遺伝子のみを特異的に増幅できる本 発明遺伝子に特有のものである限りなんら限定はなく、 本発明遺伝情報に基いてその配列を適宜設定することが できる。 通常これは常法に従って15~30ヌクレオチド程度の部分配列を有するものとすることができる。 その好適な例は、後記実施例に示すとおりである。

本発明神経変性疾患治療剤の有効成分とする発現物

5 (組換え蛋白質)は、該組換え蛋白質に対する特異抗体を作成するための免疫抗原としても好適に利用できる。かかる抗原の利用により、所望の抗血清(ポリクローナル抗体)及びモノクローナル抗体を収得できる。該抗体の製造法自体は、当業者によく理解されており、本発明

10 においてもかかる常法を採用できる〔続生化学実験講座「免疫生化学研究法」、日本生化学会編(1986)など参照〕。かくして得られる抗体は、例えば上記発現物の精製及びその免疫学的手法による測定乃至識別などに有利に利用できる。

15 本発明に係わる神経変性疾患に対する治療剤は、上記発現物を有効成分として、一般的に知られている蛋白製剤の製造と同様にして製造することができる。ここで用いられる有効成分は、(a) TMP-2蛋白質の34-318アミノ酸配列部分を含む発現物及び(b) TMP
20 -2蛋白質の34-318アミノ酸配列において1又は複数のアミノ酸が欠失、置換又は付加されたアミノ酸配列部分を含む発現物から選ばれる少なくとも1種である

ことが重要である。特に好ましい上記発現物には、

TMP-2蛋白質の34-318アミノ酸配列部分の発 現物、TMP-2蛋白質の34-318アミノ酸配列の C末端にヒスチジン 6残基を結合させた組換え蛋白質又 は同アミノ酸配列のN末端にマルトース結合蛋白質を融 合させた融合型組換え蛋白質が包含される。また、上記 有効成分とする発現物には、TMP-2蛋白質の34-3 1 8 ア ミ ノ 酸 配 列 に お い て 1 又 は 複 数 の ア ミ ノ 酸 が 欠 失、置換又は付加されたアミノ酸配列(改変アミノ酸配 列) 部分を含む発現物の他にも、同改変アミノ酸配列の 10 C末端にヒスチジン6残基を結合させた組換え蛋白質及 び同改変アミノ酸配列のN末端にマルトース結合蛋白質 を融合させた融合型組換え蛋白質も、当然に包含される。 これらは上記特に好ましい発現物と同様の機能を有する 15 同効物である。

該蛋白製剤として有用な組換え蛋白質には、その医薬的に許容される塩も包含される。かかる塩には、当業界で周知の方法により調製される、例えばナトリウム、カリウム、リチウム、カルシウム、マグネシウム、バリウム、アンモニウムなどの無毒性アルカリ金属塩、アルカリ土類金属塩及びアンモニウム塩が包含される。更に上記塩には、本発明有効成分ペプチドと適当な有機酸乃至

無機酸との反応による無毒性酸付加塩も包含される。代表的酸付加塩としては、例えば塩酸塩、塩化水素酸塩、臭化水素酸塩、面硫酸塩、酢酸塩、蓚酸塩、吉草酸塩、オレイン酸塩、ラウリン酸塩、硼酸塩、安息香酸塩、乳酸塩、リン酸塩、pートルエンスルホン酸塩(トシレート)、クエン酸塩、マレイン酸塩、フマル酸塩、コハク酸塩、酒石酸塩、スルホン酸塩、グリコール酸塩、マレイン酸塩、アスコルビン酸塩、ベンゼンスルホン酸塩及びナプシレートなどを例示できる。

10 本発明治療剤は、より詳しくは、上記発現物の薬学的 有効量を適当な製剤担体(乃至は希釈剤)と共に含む医 薬組成物乃至医薬製剤に調製される。

上記医薬組成物 (医薬製剤) に利用できる担体としては、製剤の使用形態に応じて通常使用される、充填剤、

15 増量剤、結合剤、付湿剤、崩壊剤、表面活性剤、滑沢剤などの希釈剤或は賦形剤などを例示でき、これらは得られる製剤の投与単位形態に応じて適宜選択使用される。該製剤形態としては各種のものが治療目的に応じて選択でき、その代表的なものとしては錠剤、丸剤、散剤、液20 剤、懸濁剤、カブセル剤、坐剤、注射剤(液剤、懸濁剤などを例示できる。

特に好ましい本発明医薬製剤は、通常の蛋白製剤など

に使用され得る各種の成分、例えば安定化剤、殺菌剤、 緩衝剤、等張化剤、キレート剤、pH調整剤、界面活性 剤などを適宜使用して調製される。

上記安定化剤としては、例えばヒト血清アルブミンや 通常のL-アミノ酸、糖類、セルロース誘導体などを例 示でき、之等は単独で又は界面活性剤などと組合せて使 用できる。特にこの組合せによれば、有効成分の安定性 をより向上させ得る場合がある。

上記レーアミノ酸としては、特に限定はなく例えばグ 10 リシン、システィン、グルタミン酸などのいずれでもよ い。

上記糖としても特に限定はなく、例えばグルコース、マンノース、ガラクトース、果糖などの単糖類、マンニトール、イノシトール、キシリトールなどの糖アルコール、ショ糖、マルトース、乳糖などの二糖類、デキストラン、ヒドロキシプロピルスターチ、コンドロイチン硫酸、ヒアルロン酸などの多糖類など及びそれらの誘導体などを使用できる。

界面活性剤としても特に限定はなく、イオン性及び非 20 イオン性界面活性剤のいずれも使用でき、例えばポリオ キシエチレングリコールソルビタンアルキルエステル系、 ポリオキシエチレンアルキルエーテル系、ソルビタンモ ノアシルエステル系、 脂肪酸 グリセリド系 などを 使用で きる。

セルロース誘導体としても特に限定はなく、メチルセルロース、エチルセルロース、ヒドロキシエチルセルロース、ヒドロキシプロピルセルロース、ヒドロキシプロピルメチルセルロース、カルボキシメチルセルロースナトリウムなどを使用できる。

上記糖類の添加量は、有効成分1μg当り約

- 0. 0001mg程度以上、好ましくは約0. 01~
- 10 10mg程度の範囲とするのが適当である。界面活性剤の添加量は、有効成分1μg当り約0.0001mg程度以上、好ましくは約0.0001~0.01mg程度の範囲とするのが適当である。ヒト血清アルブミンの添加量は、有効成分1μg当り約0.0001mg程度 以上、好ましくは約0.001~0.1mg程度の範囲

とするのが適当である。アミノ酸は、有効成分 1 μg当り約 0. 001~10mg程度とするのが適当である。

また、セルロース誘導体の添加量は、有効成分 1 μ g 当 り約 0. 0 0 0 0 1 m g 程度以上、好ましくは約

20 0.001~0.1 mg程度の範囲とするのが適当である。

本発明医薬製剤中に含まれる有効成分の量は、広範囲

から適宜選択されるが、 通常約 0. 0 0 0 1 ~ 7 0 重量%、 好ましくは 0. 0 0 1 ~ 5 重量%程度の範囲とするのが適当である。

また本発明医薬製剤中には、各種添加剤、例えば緩衝

剤、等張化剤、キレート剤などをも添加することができ
る。ここで緩衝剤としては、ホウ酸、リン酸、酢酸、クエン酸、εーアミノカプロン酸、グルタミン酸及び/又はそれらに対応する塩(例えばそれらのナトリウム塩、カリウム塩、カルシウム塩、マグネシウム塩などのアルカリウム塩、カルシウム塩(サトリウム、塩化カリウム、糖類、グリセリンなどを例示できる。またキレート剤としては、例えばエデト酸ナトリウム、クエン酸などを例示できる。

15 本発明医薬製剤は、溶液製剤として使用できる他に、 これを凍結乾燥化し保存し得る状態にした後、用時水、 生埋的食塩水などを含む緩衝液などで溶解して適当な濃 度に調製して使用することも可能である。

また、本発明医薬製剤は、錠剤、丸剤、散剤、粉末剤、 20 顆粒剤、カプセル剤などの固体投与形態や、溶液、懸濁 剤、乳剤、シロップ、エリキシルなどの液剤投与形態に 調製されてもよい。これらは更に投与経路に応じて経口 剤、非経口剤、経鼻剤、経膣剤、坐剤、舌下剤、軟膏剤などに分類され、それぞれ通常の方法に従い、調合、成形乃至調製することができる。

例えば、錠剤の形態に成形するに際しては、上記製剤 5 担体として乳糖、白糖、塩化ナトリウム、ブドウ糖、尿 素、デンプン、炭酸カルシウム、カオリン、結晶セルロ ース、ケイ酸、リン酸カリウムなどの賦形剤、水、エタ ノール、プロパノール、単シロップ、ブドウ糖液、デン プン液、ゼラチン溶液、カルボキシメチルセルロース、 ヒドロキシプロピルセルロース、メチルセルロース、ポ 10 リビニルピロリドンなどの結合剤、カルボキシメチルセー ルロースナトリウム、カルボキシメチルセルロースカル シウム、低置換度ヒドロキシプロピルセルロース、乾燥 デンプン、アルギン酸ナトリウム、カンテン末、ラミナ ラン末、炭酸水素ナトリウム、炭酸カルシウムなどの崩 15 壊 剤、 ポリオキシエチレンソルビタン脂肪酸エステル類、 ラウリル硫酸ナトリウム、ステアリン酸モノグリセリド などの界面活性剤、白糖、ステアリン、カカオバター、 水素添加油などの崩壊抑制剤、第4級アンモニウム塩基、 20 ラウリル硫酸ナトリウムなどの吸収促進剤、グリセリン、 デンプンなどの保湿剤、デンプン、乳糖、カオリン、ベ ントナイト、コロイド状ケイ酸などの吸着剤、精製タル

ク、ステアリン酸塩、ホウ酸末、ポリエチレングリコー ルなどの滑沢剤などを使用できる。

更に錠剤は必要に応じ通常の剤皮を施した錠剤、例えば糖衣錠、ゼラチン被包錠、腸溶被錠、フィルムコーティング錠或は二重錠乃至多層錠とすることができる。

丸剤の形態に成形するに際しては、製剤担体として例 えばブドウ糖、乳糖、デンプン、カカオ脂、硬化植物油、 カオリン、タルクなどの賦形剤、アラビアゴム末、トラ ガント末、ゼラチン、エタノールなどの結合剤、ラミナ 10 ラン、カンテンなどの崩壊剤などを使用できる。

カプセル剤は、常法に従い通常本発明の有効成分を上記で例示した各種の製剤担体と混合して硬質ゼラチンカプセル、軟質カプセルなどに充填して調整される。

経口投与用液体投与形態は、慣用される不活性希釈剤、 15 例えば水、を含む医薬的に許容される溶液、エマルジョン、懸濁液、シロップ、エリキシルなどを包含し、更に 湿潤剤、乳剤、懸濁剤などの助剤を含ませることができ、 これらは常法に従い調製される。

非経口投与用の液体投与投与形態、例えば滅菌水性乃

20 至非水性溶液、エマルジョン、懸濁液などへの調製に際

しては、希釈剤として例えば水、エチルアルコール、プロピレングリコール、ポリエチレングリコール、エトキ

シ化イソステアリルアルコール、ポリオキシ化イソステアリルアルコール、ポリオキシエチレンソルビタン脂肪酸エステル及びオリーブ油などの植物油などを使用でき、また注入可能な有機エステル類、例えばオレイン酸エチルなどを配合できる。これらには更に通常の溶解補助剤、緩衝剤、湿潤剤、乳化剤、懸濁剤、保存剤、分散剤などを添加することもできる。 滅菌は、例えばバクテリア保留フィルターを通過させる濾過操作、殺菌剤の配合、照射処理及び加熱処理などにより実施できる。また、これらは使用直前に滅菌水や適当な滅菌可能媒体に溶解することのできる滅菌固体組成物形態に調製することもできる。

坐剤や膣投与用製剤の形態に成形するに際しては、製剤担体として、例えばポリエチレングリコール、カカオ 15 脂、高級アルコール、高級アルコールのエステル類、ゼラチン及び半合成グリセライドなどを使用できる。

ペースト、クリーム、ゲルなどの軟膏剤の形態に成形するに際しては、希釈剤として、例えば白色ワセリン、パラフイン、グリセリン、セルロース誘導体、プロピレングリコール、ポリエチレングリコール、シリコン、ベントナイト及びオリーブ油などの植物油などを使用できる。

経鼻又は舌下投与用組成物は、周知の標準賦形剤を用いて、常法に従い調製することができる。

尚、本発明医薬製剤中には、必要に応じて着色剤、保存剤、香料、風味剤、甘味剤などや他の医薬品などを含有させることもできる。

上記医薬製剤の投与方法は、特に制限がなく、各種製剤形態、患者の年齢、性別その他の条件、疾患の程度などに応じて決定される。例えば錠剤、丸剤、液剤、懸濁剤、乳剤、顆粒剤及びカプセル剤は経口投与され、注射10 剤は単独で又はブドウ糖やアミノ酸などの通常の補液と混合して静脈内投与され、更に必要に応じ単独で筋肉内、皮内、皮下もしくは腹腔内投与され、坐剤は直腸内投与され、経膣剤は膣内投与され、経鼻剤は鼻腔内投与され、舌下剤は口腔内投与され、軟膏剤は経皮的に局所投与される。

上記医薬製剤の投与量は、特に限定されず、所望の治療効果、投与法、治療期間、患者の年齢、性別その他の条件などに応じて広範囲より適宜選択されるが、一般的には、通常有効成分量が、1日成人体重1kg当り、約0001μg~10mg程度、好ましくは約001μg~1mg程度とするのがよく、該製剤は1日に1回又は数回に分けて投与することができる。

図面の簡単な説明

図 1 乃至図 3 は、本発明蛋白質の神経細胞に対する生存維持効果を示すグラフである。

発明を実施するための最良の形態

5 以下、本発明を更に詳しく説明するため、実施例を挙 げる。

実施例1 TMP-2遺伝子

- (1) TMP-2遺伝子のクローニング及びDNAシークエンシング
- 10 ヒト胎児脳より抽出したmRNAをクローンテック社 より購入し、出発材料とした。

上記各mRNAよりcDNAを合成し、ベクター入ZAPII(ストラタジーン社製)に挿入し、cDNAライブラリーを構築した(大塚GENリサーチ・インスティチュート、大塚製薬株式会社)。

インビボ・エキシジョン法(in vivo excision:

Short, J. M., et al., Nucleic Acids Res., 16, 7583
-7600 (1988))によって、寒天培地上にヒト遺伝子を含む大腸菌コロニーを形成させ、ランダムにそのコロニーをピックアップし、96ウエルマイクロプレートにヒト遺伝子を含む大腸菌クローンを登録した。登録されたクローンは、-80℃にて保存した。

次に登録した各クローンを 1.5m1 の L B 培地で一屋 夜培養し、プラスミド自動抽出装置 PI-100 (クラボウ社製)を用いて DNA を抽出精製した。尚、コンタミした大腸菌の RNA は、RN as e処理により分解除去した。最終的に $30\mu1$ に溶解し、 $2\mu1$ は、 $8\mu1$ によりおおまかに DNA のサイズ、量をチェックし、 $9\mu1$ をシークエンス 反応用に用い、残りの $9\mu1$ は、プラスミド $9\mu1$ の $9\mu1$ に保存した。

続いて、T3、T7或は合成オリゴヌクレオチド・プ

10 ライマーを用いるサンガーらのジデオキシターミネータ
ー法(Sanger、F., et al., Proc. Natl. Acad. Sci., USA.,

74、5463-5467(1977))或はジデオキシターミネーター
法にPCR法を加味した方法であるサイクルシークエン
ス法(Carothers、A. M., et al., Bio. Techniques, 7、

15 494-499(1989))を実施した。これらは、少量のプラス
ミドDNA(およそ 0. 1 - 0. 5 μg)をテンプレート
(鋳型)として 4 種の塩基特異的に停止する伸長反応させ

シークエンスプライマーとしては、FITC

る方法である。

20 (fluorescein isothiocyanate)の蛍光標識したものを使用し、Taaポリメラーゼにより通常約25サイクル反応させた。そのPCR産物はポリアクリルアミド・尿素

ゲルで分離し、蛍光標識したDNA断片を自動DNAシークエンサー、ALF™DNAシークエンサー(ファルマシア社製)によりcDNAの5、末端側から約400塩基の配列を決定した。

また、3 非翻訳領域は各遺伝子のヘテロジェナイティ (heterogeneity)が高く、個々の遺伝子を区別するには適しているので、場合によっては、3 側のシークエンスも行った。

DNAシークエンサーで得られた膨大な塩基配列情報
10 は、64ビットのコンピューターDEC3400に転送
し、コンピューターによるホモロジー解析に用いた。 ホモロジー解析には、UWGCGのFASTAプログラム
(Pearson, W. R. and Lipman, D. J., Proc. Natl. Acad.
Sci., USA., 85, 2444-2448(1988)) によるデーターベー
15 ス (GenBank, EMBL) 検索により行った。

上記方法によって、ヒト胎児脳 c D N A ライブラリーから任意に選択した c D N A クローンの配列解析とデータ・ベースの検索を行った結果、 膜蛋白質遺伝子 (transmembrane protein:アクセッションNo.; U19878)に 20 相同性の高い c D N A 配列を有するクローン (G E N ー 0 9 2 E 1 0) を見出した。

しかして従来、膜蛋白質遺伝子は、カエル (Xenopus

laevis)とヒトにおいてクローニングされており、これらはフォリスタチン・モデュル(follistatin module)と EGF領域(epidermal growth factor domain)を有する 細胞膜貫通型のタンパク質の遺伝子であると考えられる (アクセッションNo.; U19878)。

上記蛋白質遺伝子の配列情報から、GEN-092E 10クローンは5'領域を欠いていたので、λgt10 cDNAライブラリー(Human Fetal Brain 5'-STRETCH PLUS cDNA; クローンテック社製)を、GEN-092E 10 10クローンをプローブとしてスクリーニングすることにより、さらに5'上流を含む c DNAクローンを単離した。

この c D N A クローンの両ストランドを配列決定する ことによって、全体のコード領域をカバーしている配列 15 が明らかになり、この遺伝子をTMP-2遺伝子と命名 した。

TMP-2遺伝子は配列番号:2で示される1122 塩基のオープン・リーディング・フレームを含んでいて、 これによってコードされるアミノ酸は、配列番号:1で 20 示されるように374アミノ酸残基を有し、TMP-2 の全cDNAクローンの核酸配列は、配列番号:3で示 されるとおり、1721塩基からなっていた。 配列番号:3で示されるように5、非コード領域は、 総体的にGCリッチであった。開始コドンの候補配列は、 いくつか存在したが、スキャンニング・モデルに従えば、 cDNAクローンの5番目のATG(塩基配列番号 368-370番目)が開始コドンと推定された。停止 コドンは、塩基配列番号1490-1492番目に位置 していた。ポリ・アデニレーション・シグナル(AATA AA)は、塩基配列番号1703-1708番目位置して いた。TMP-2遺伝子産物の計算された分子量は、

10 41, 400ダルトンであった。

上記したように膜蛋白質遺伝子は、フォリスタチン・モデュルとEGF領域を有しているが、本例で得られたヒト遺伝子においても、これらのモチーフが保存されていた。

- また、TMP-2遺伝子はTGF-α(transforming growth factor-α; Derynck, R., et al., Cell, <u>38</u>, 287-297 (1984))、β-セルリン(β-cellulin; Igarashi, K. and Folkman, J., Science, <u>259</u>, 1604-1607 (1993))、ヘパリン結合EGF様成長因子(heparin-binding EGF-
- 20 like growth factor; Higashiyama, S., et al., Science, <u>251</u>, 936-939 (1991))及びシュワノマ誘導成長因子(Schwannoma-derived growth factor; Kimura, H.,

et al., Nature, <u>348</u>, <u>257-260</u> (1990))と、EGF領域周辺においてアミノ酸レベルで相同性を有することなどから、細胞の増殖や細胞間のコミュニケーションに重要な役割を果たすと考えられる。

5 (2) ノーザンプロット分析

正常ヒト組織におけるTMP-2蛋白質のmRNAの発現をランダム・オリゴヌクレオチド・プライミング法によって標識したヒトcDNAクローンをプローブとするノーザンブロットにより評価した。

10 ノーザンブロット分析は、製品使用法に従い、ヒト M T N ブロット (Human Multiple Tissue Northern blot; クローンテック社製、パロ・アルト、カリフォルニア、 米国)を用いて実施した。

即ち、上記GEN-092E10クローンのPCR増 15 幅産物を〔³²P〕-dCTP(ランダムプライムド DNAラベリングキット、ベーリンガーマンハイム社) により標識してプローブとした。

ブロッティングは、 4 2 ℃で一晩、 5 0 % ホルムアミド/ 5 × S S C / 5 0 × デンハルツ溶液 / 0. 1 %

20 SDS溶液(100μg/m1変性サケ精子DNA含有)の溶液中でハイブリダイズした。2×SSC/0.01
%SDSにて室温下にて2回洗浄後、次いで0.1×

S S C \angle 0 . 0 5 % S D S に て 5 0 \mathbb{C} 下 に 4 0 分間 で 3 回 洗浄 した。 フィルターは - 7 0 \mathbb{C} 下 に 1 8 時間、 X 線フィルム(コダック社製)に対して露光した。

その結果、脳と前立腺において、TMP-2mRNA 5 の高い発現が検出された。該TMP-2遺伝子の mRNAのサイズは、約2kbであった。

実施例2 TMP-2蛋白質

- (1) M B P T M P 2 融合蛋白質発現ベクターの構築
- 実施例1で得られたTMP-2遺伝子のコード領域から、膜貫通領域として予測される部分を除いた領域(配列番号:1に示されるアミノ酸配列中、34-318アミノ酸残基部分)をコードする遺伝子をサブクローニングするために、配列番号:3に示されるDNA配列情報を基に、配列番号:4及び:5に示す配列のプライマーA及びBを作成した。

尚、プライマーAはEcoRIサイトを、プライマーBはSalIサイトを含んでいる。両プライマーを利用し、ヒト胎児脳mRNAから誘導された c DNAを用いてPCR
 20 を行い、およそ900塩基の産物を得た。増幅させた c DNAをCHROMA SPIN-400カラム (クローンテック社製)で精製した後、pMAL-C2 (New

した。

England Biolabs 社製)に挿入し、大腸菌TB1にトランスフォームし、クローニングし、全配列を確認した。得られた融合ベクターは、目的のTMP-2遺伝子産物とそのアミノ末端側にマルトース結合蛋白質(MBP)を融合させた融合蛋白質を発現するベクターである。

(2)融合蛋白質の発現と精製

上記により調製したベクターを大腸菌(TB1)にトランスフォームし、得られた融合ベクターを含む大腸菌 をアンピシリンを含むLB培地で30℃で1晩培養後、

- 同培地で10倍に希釈し、37℃で2時間培養し、これに2mMになるようにIPTGを添加して、更に20℃で1晩培養した。遠心により菌を回収し、10%ショ糖を含むTED(20mM トリス塩酸(pH7.5)、1mM EDTA、1mM DTT)に懸濁させ、プロテアーゼインヒビターカクテル(Sigma社)を加えて超音波破砕した後、超遠心して上清を得た。この上清をアミロース樹脂にアプライし、1%CHAPS及び0.1M NaC1を含むTED、続いて0.1M NaC1を含むTED、続いて0.1M NaC1を含むTEDでカラムを十分に洗浄した後、10mM マルトースを含んだ
 TEDで目的融合蛋白質(MBP-TMP-2)を溶出
 - 最終的な溶出画分及び各精製ステップの画分はSDS

-PAGEにて精製度と定量を行った。溶出画分は、必要に応じて、SMARTシステムのMonoQPC1.6 / 5カラム(Amersham Pharmacia Biotech 社製)を用いて更に精製した。即ち、TEDで平衡化したMonoQPC1.6 / 5カラムに上記溶出画分を吸着させ、0~0.5 M NaClの直線濃度勾配で溶出を行った。目的融合蛋白質を含む画分の確認は、SDS-PAGEで行った。

コントロール用のMBPは、pMAL-C2ベクターを 10 トランスフォームした大腸菌(TB1)から、上記MB P-TMP-2融合蛋白質の場合と同様にして、アミロー ス樹脂により精製した。

(3) TMP-2-His発現ベクターの構築

実施例1で得られたTMP-2遺伝子のコード領域から、膜貫通領域として予測される部分を除いた領域(配列番号:1に示されるアミノ酸配列中、34-318アミノ酸残基部分)をコードする遺伝子をサブクローニングするために、配列番号:3に示されるDNA配列情報を基に、配列番号:6及び:7に示す配列のプライマー20 C及びDを作成した。

尚、プライマーCはNdeIサイトを、プライマーD はXhoIサイトを含んでいる。両プライマーを利用し、 ヒト胎児脳mRNAから誘導された c DNAを用いて PCRを行い、およそ900塩基の産物を得た。得られ た増幅 c DNA断片をNde I 及びXho I で切断後、 pET21b-lac I '(Invitrogen社製pET21b にlac I 'を導入して改変したもの)の同酵素処理物に 挿入して発現ベクターを精製した。

上記pET21b-lacI[°]は、以下のようにして作成した。即ち、pET21b (Invitrogen社製)及びpBluescript IIをそれぞれXbaI及び

- 10 ApaIで切断処理し、得られたpET21bの約1kb断片を、切断したpBluescript IIにサブクローニングした。得られたクローンより更にSphI及びKpnIにて約750bpの断片を切り出し、
- p K F 1 9 k を同酵素で処理したものにサブクローニン 15 グした。次に、5′端をリン酸化した配列番号:12に
 - 5 がした。次に、5、端をリン酸化した配列番号:12に 示す配列の合成プライマーを用いて、Mutanー Super Express Km(タカラ社製)によっ て1ac I (1ac リプレッサーの過剰発現突然変異体、

Michele P. Calos, Nature, <u>274</u>, 762-765,(1978)) を導

20 入した後、SphI及びMluIで切り出し、pET2 1bをSphI及びMluIで切断したものにサブクローニングしてシークエンスを確認した。

上記で得られた発現ベクターは、目的のTMP-2蛋白質の34-318アミノ酸残基部分とそのカルボキシル末端(C末端)にヒスチジン・タグ(ヒスチジン6残基)を融合させた融合蛋白質を発現し得るベクターである。

上記で得た発現ベクターを、 p L y s E プラスミドを 導入した大腸菌 B L 2 1 (D E 3) にトランスフォーム し、 得られた大腸菌を L B 培地に懸濁させた後、 1 時間 3 7℃で培養し、最終濃度 2 m M の I P T G を加えて、

10 20℃で1晩蛋白質の誘導を行った。

得られた培養液から1mlを分取して、菌体を回収し、 SDS サンプル・バッファー (62.5mM トリス塩酸 (pH 6.8), 2% SDS, 5% 2-メルカプトエタノール, 7% グリセ リン) に懸濁させた後、100℃で加熱し13% SDS -PAGEを行った後、クマシー染色及び抗MBP-0 92抗体によるウエスタンブロッティングを行って、目 的蛋白質の発現を調べた。

その結果、目的蛋白質の発現は確認できたが、発現量が非常に少ないことが判った。これは目的蛋白質をコー20 ドしているN末端側のDNA配列に大腸菌では翻訳されにくい(頻度の低い)コドンが多数存在しているためであると予想された。

そこで、上記N末端側のDNA配列を大腸菌で翻訳されやすいものとするために、配列番号:8及び:9に示すリンカーDNAのE及びFを用いて高発現ベクターの作成を行った。

5 尚、上記リンカー配列内のアミノ酸配列は、マウス及びヒトにおいて同じであり、これらのDNAをアニーリングしてリンカーを作成した。その5 末端はNdelで切断したときに生じるサイトを、また3 末端は Cfr10lで切断したときに生じるサイトを持っている。

このリンカーを用いて、クローニングしたそれぞれの TMP-2のNdeI-Cfr10Iの断片と交換を試 みた。しかしながらこの方法ではリンカーがうまく導入 されないために、次いで、リンカーE及びpET21の シーケンスプライマーであるP-T10(配列番号: 10に示す配列を有する)を用いてPCR後、更にこれ を鋳型として、プライマーG(配列番号:11に示す配 列を有する)及び上記P-T10を用いて再度PCRを 行った。

20 尚プライマーGにはNdeI認識配列が含まれている。 得られたPCR産物をNdeI及びXhoIで消化して、pET21b-lacI^qの同サイトにクローニング したプラスミドを調製して、そのDNA配列を確認した結果、このものはリンカーEの全配列を含むことが確認されたので、このベクターを用いて目的蛋白質の発現誘導を同様にして実施した。

5 その結果、再構築前の発現ベクターを用いた場合に比べて、有意に目的蛋白質の発現量が向上していることを確認した。

(4) 本発明有効成分蛋白質の発現と精製

上記(3)で再構築した発現ベクターを、pLysE

10 プラスミドを含む大腸菌BL21 (DE3) 株に導入し、
得られた形質転換体をアンピシリンを含む液体LB培地
で回収し、その一部をアンピシリンを含む液体LB培地
に植菌した。

3 7 ℃で対数増殖期まで培養後、最終濃度 2 m M にな 15 るように I P T G を添加して、 2 0 ℃で 1 晩培養した。 得られた培養液から大腸菌を回収し、 1 0 %ショ糖を含 む T E D (10% sucrose含有 Tris-HCl - EDTA - DTT) に懸 濁させ、超音波破砕した後、 1 0 0 0 0 0 × g で超遠心 して上清と沈殿とを分離した。

20 沈殿を10%ショ糖を含むTEDに懸濁させ、同様にして破砕、分画を合計5回繰り返し、得られた沈殿を1%CHAPS及び10%ショ糖を含むTEDに懸濁させ、

超音波破砕後、100000×gにて上清と沈殿とに分画した。

得られた上清をTEDで希釈し、Ni-NTAスーパーフローカラム(QIAgen社製)にて展開して、目的蛋白質を含む画分を集め、MonoQカラム

(Amersham Pharmacia Biotech社製)にて展開し、目的蛋白質を含む画分を集め、セントリコン-10

(Centricon-10, Amicon社製) にて濃縮した。

(5) TMP-2発現ベクターの構築

TMP-2の34-318アミノ酸残基部分をコードする遺伝子をサブクローニングするために、プライマーG及びプライマーBを利用し、上記(3)で構築した高発現ベクターを鋳型として、PCRを行った。

得られたPCR産物をNdeI及びSalIで消化し、 15 pET21a-lacl°の同サイトにクローニングした プラスミドを調製し、全塩基配列を確認した。このベク ターによって得られる組換え蛋白質は、TMP-2の 34-318アミノ酸残基部分の他にはいかなるタグも 含んでいない。

20 (6)発現と精製

上記(5)で得られたベクターを用い、目的蛋白質を上記(4)と同様にして発現させた。得られた大腸菌を

10%ショ糖を含むTEDに懸濁させ、プロテアーゼインヒビターカクテルを加えて超音波破砕した後、超遠心して上清と沈殿とを得た。得られた沈殿につき、同懸濁、超遠心を繰り返した。3回目と4回目の上清に、25% 5 飽和になるようにTEDに溶かした飽和硫安溶液を加え、4℃で一晩静置後、遠心して沈殿を得た。該沈殿をプロテアーゼインヒビターカクテルを含むTEDに懸濁させ、同緩衝液に対して透析を行った。透析中に生じた沈殿を遠心により除き、上清より目的蛋白質を次の操作により 10 精製した。

即ち、上記上清をTEDで平衡化したQ-セファロースFFカラムにアプライし、NaC1を含むTEDにより溶出を行った。NaC1を終濃度2Mになるように添加し、オクチル-セルロファイン(Octyl-cellulofine、生化学工業社製)にアプライした。

目的のTMP-2組換え蛋白質は、主として非吸着画分に回収された。この画分に硫安を加えて50%飽和硫安溶液とし、TMP-2を沈殿させた。この沈殿をTEDに懸濁、脱塩した後、Mini-Qカラム

20 (Amersham Pharmacia Biotech社製) を用いて更に精製した。溶出は、0~0. 3 MのNaClの直線濃度勾配の後、0. 3 M NaClでしばらく洗浄を続け、更に

3~0. 5 MのNaClの直線 濃度勾配によって行った。

かくして T M P -2 を、 0 . 3 ~ 0 . 5 M N a C 1 画 分に純度よく回収した。この画分を最終精製画分とした。 濃度は S D S - P A G E 上 で、ウシ血清 アルブミンを内部標準として決定した。精製した T M P -2 は、液体窒素で凍結後、-8 0 $\mathbb C$ で保存した。

(7) 脳神経細胞の単離と培養

SD系ラット15日齢胎仔より無菌的に全脳を取り出 10 し、中脳腹側部(ventral midbrain)を切り分けた。 メ スで細切後、 0.25% トリプシン、 0.002% DNaseを含むリン酸塩緩衝生理食塩液(PBS)中で 37℃、20分間インキュベートして酵素処理した。牛 胎児血清を添加し酵素反応を停止させた後、プラスチッ ク製チップを付けたピペットで細胞液を吸い上げて吐き 15 出す操作を3回繰返して細胞を分散させた。レンズペー パーを2枚重ねたフィルターに細胞液をろ過して消化さ れなかった組織片を除き、1000rpmで5分間遠心 した。 D M E M / F 1 2 培地 (ギブコ社製) を用いて細 20胞を洗い、10%牛胎児血清を含むDMEM/F12培 地を入れたポリレーリジンでコーティングした96ウエ ルプレートに細胞を最終的に 3 . 1 × 1 0 5 細胞/c m 2

になるように播いた。

(8) 本発明有効成分蛋白質による処理

上記細胞を 2 4 時間培養後、培養液を 1 % N 2 添加物 (N2 Supplement, GIBCO社製)を含んだ D M E M / F 1 2 に交換し、上記 (2)及び (4)のそれぞれで調製した本発明有効成分蛋白質を 2 0、 2 0 0 及び 4 0 0 n g / m 1 の各濃度で添加した (本発明群)。

また、比較のため、MBP(400ng/ml)添加 (MBP群)及び沸騰水浴中で5分間加熱処理した融合 10 蛋白質(400ng/ml)添加(沸騰融合蛋白質群) を行った。

(9) チロシン水酸化酵素免疫組織化学

上記(8)で調製した各群の細胞(培養液)を72時間培養後、PBSに溶解した4%パラホルムアルデヒド を用いて15分間室温で放置して細胞を固定し、その後1%トリトンX100/PBSを用いて膜を透過性にした。

抗体の非特異的な結合を防ぐために、細胞を10%ヤギ血清を含むPBSで1時間インキュベートし、その後、20 抗チロシン水酸化酵素ポリクロナール抗体 (CHEMICON社製、PBSで1000倍希釈)を用いて16時間4℃で細胞をインキュベートした。抗体液を除いた後、細胞を

PBSで洗い、ペルオキシダーゼ標識デキストランポリマー結合ヤギ抗ラビットイムノグロブリン(DAKO社製)を加えて室温で1時間インキュベートした。

チロシン水酸化酵素陽性細胞の検出は、基質としてジアミノベンチジンを用いる発色反応の有無によった。チロシン水酸化酵素陽性細胞数を指標として、ドパミン神経細胞の生存維持を評価した。

(10) チロシン水酸化酵素陽性細胞数の計測

1 ウェルあたりランダムにウェル面積の10%に相当
10 するフィールド内のチロシン水酸化酵素陽性細胞数を、
11フィールドについて計測(倍率 x 100) し、測定値を c m 2 あたりの細胞数に換算した。

- (11) 初代培養ラット中脳ドパミン神経細胞の生存維持に対する本発明有効成分蛋白質の効果
- 15 結果を図1及び図2(縦軸:チロシン水酸化酵素陽性 細胞数 (細胞/cm²)、横軸:各群)に示す。

図1において、各群は次の通りであり、nはウェル数を示す。

対照群…何等の添加物も添加しなかったコントロール群 20 (n = 8)

M B P 群 … M B P 4 0 0 n g / m 1 添加群 (n = 8) 沸騰融合蛋白質群…沸騰水浴中で5分間加熱処理した M BP-TMP-2融合蛋白質400ng/m1を添加し た群(n=8)

本発明群 ··· M B P - T M P - 2 融合蛋白質 4 0 0 n g / m l を添加した群 (n = 8)

5 また図中、*印は対照群に対して有意差なしを、** は対照群に対して有意差あり(p < 0. 05, Dunnett's testによる)をそれぞれ示す。

図 1 より、 M B P - T M P - 2 融合蛋白質添加の本発明群では、該融合蛋白質に依存してドパミン神経細胞の10 生存促進(細胞死の抑制)がなされることが明らかである。この効果は、対照群に対して、 p < 0. 0 5 (Dunnett's testによる)の有意差を示した。

尚、MBP群では、対照群と有意差は認められなかった。また、沸騰融合蛋白質群では、ドパミン神経細胞に 15 対する生存維持効果は消失した。

また、図2において、各群は次の通りであり、 n はウェル数を示す。

対 照 群 … 何 等 の 添 加 物 も 添 加 し な か っ た コ ン ト ロ ー ル 群 (n = 6)

20 本発明群… T M P - 2 - H i s 融合蛋白質のそれぞれ
 0. 1、1及び10ng/mlを添加した群(n=6)
 また図中、*印は対照群に対して有意差なしを、**

は対照群に対して有意差あり(p < 0. 05, Dunnett's testによる)を、***は対照群に対して有意差あり(p<0. 01, Dunnett's testによる)をそれぞれ示す。

図 2 より、 T M P - 2 - H i s 融合蛋白質添加の本発明群では、該融合蛋白質の濃度に依存してドパミン神経細胞の生存が促進されることが明らかである。 この効果は、 対照群に対して、融合蛋白質 1 n g / m l で、 p < 0. 0 5 (Dunnett's testによる)の有意差を、また融合蛋白質 1 0 n g / m l で、 p < 0. 0 1 (Dunnett's

10 testによる)の有意差を、それぞれ示した。

以上のことから、MBP-TMP-2融合蛋白質及び TMP-2-His融合蛋白質は、いずれも有意な神経 細胞生存促進効果を奏し得るものであり、この効果が TMP-2蛋白質に基づくことが明らかである。

- 15 更に、上記図2に結果を示す試験において、前記(4) で調製した本発明有効成分蛋白質(TMP-2-His) に代えて、前記(6)で調製した本発明有効成分蛋白質 (TMP-2の34-318アミノ酸配列からなる部分 蛋白質、表中「TMP-2」と表示)を0.01、
- 20 0. 1及び1ng/mlの各濃度で添加する以外は同一 試験を繰り返した。得られた結果を、図2と同様にして 図3に示す。

図 3 中、*印は対照群に対して有意差なしを、**は対照群に対して有意差あり(p < 0. 0 5, Dunnett's testによる)を、***は対照群に対して有意差あり(p < 0. 0 1, Dunnett's testによる)をそれぞれ示す。

5 図3からも、TMP-2の特定部分蛋白質添加の本発明群では、該蛋白質の濃度に依存してチロシン水酸化酵素陽性細胞の生存が促進されることが明らかであり、この結果より、TMP-2の特定部分が、神経細胞生存促進効果を奏し得ることが明らかである。

産業上の利用の可能性

本発明によれば、神経細胞生存促進効果を奏する因子を神経栄養因子と見なして、該神経栄養因子として機能する組換え蛋白質を有効成分とする神経変性疾患治療剤が提供できる。これはパーキンソン病、アルツハイマー病、筋発育不全性側索硬化症、ハンチントン病、脳梗塞、糖尿病性神経症、外傷性神経変性疾患などの神経変性疾患の治療に有効である。

10

請 求 の 範 囲

- 1. (a)配列番号:1で示されるアミノ酸配列の蛋白質の34-318アミノ酸配列部分を含む発現物及び(b)配列番号:1で示されるアミノ酸配列の蛋白質の34-318アミノ酸配列において1又は複数のアミノ酸が欠失、置換又は付加されたアミノ酸配列部分を含む発現物から選ばれる少なくとも1種の有効成分の有効量を、製剤担体と共に含有することを特徴とする神経変性疾患治療剤。
- 10 2. 有効成分が配列番号:1で示されるアミノ酸配列の 蛋白質の34-318アミノ酸配列の発現物である請 求項1に記載の神経変性疾患治療剤。
- 3. 有効成分が配列番号:1で示されるアミノ酸配列の 蛋白質の34-318アミノ酸配列のC末端にヒスチ ジン6残基を結合させたものである請求項1に記載の 神経変性疾患治療剤。
 - 4. 有効成分が配列番号:1で示されるアミノ酸配列の 蛋白質の34-318アミノ酸配列のN末端にマルト -ス結合蛋白質を融合させた融合蛋白質である請求項 1に記載の神経変性疾患治療剤。
 - 5. パーキンソン病、アルツハイマー病、筋発育不全性側索硬化症、ハンチントン病、脳梗塞、糖尿病性神経

症及び外傷性神経変性疾患の治療に用いられる請求項1に記載の神経変性疾患治療剤。

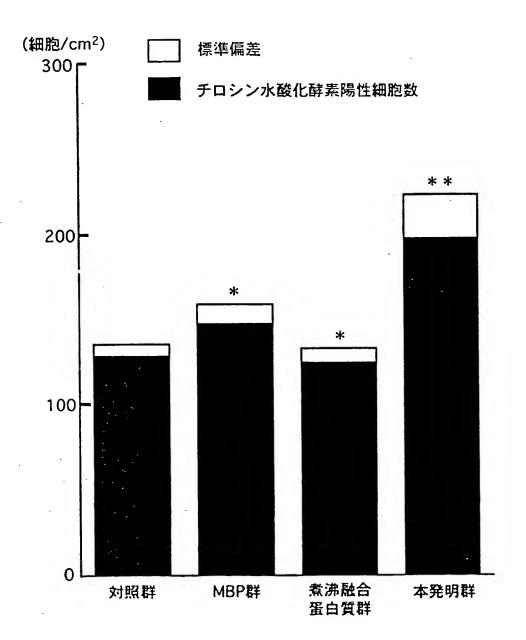
- 6. (a) 配列番号:1で示されるアミノ酸配列の蛋白質の34-318アミノ酸配列部分を含む発現物及び
 (b) 配列番号:1で示されるアミノ酸配列の蛋白質の34-318アミノ酸配列において1又は複数のアミノ酸が欠失、置換又は付加されたアミノ酸配列部分を含む発現物から選ばれる少なくとも1種の有効成分の有効量を、処置を要求される患者に投与することを特徴とする神経変性疾患の治療方法。
 - 7. 有効成分が配列番号:1で示されるアミノ酸配列の 蛋白質の34-318アミノ酸配列の発現物である請 求項6に記載の神経変性疾患の治療方法。
- 8. 有効成分が配列番号:1で示されるアミノ酸配列の 15 蛋白質の34-318アミノ酸配列のC末端にヒスチ ジン6残基を結合させたものである請求項6に記載の 神経変性疾患の治療方法。
 - 9. 有効成分が配列番号:1で示されるアミノ酸配列の 蛋白質の34-318アミノ酸配列のN末端にマルト -ス結合蛋白質を融合させた融合蛋白質である請求項 6 に記載の神経変性疾患の治療方法。
 - 10. パーキンソン病、アルツハイマー病、筋発育不全

性側索硬化症、ハンチントン病、脳梗塞、糖尿病性神経症及び外傷性神経変性疾患の治療に用いられる請求項6に記載の神経変性疾患の治療方法。

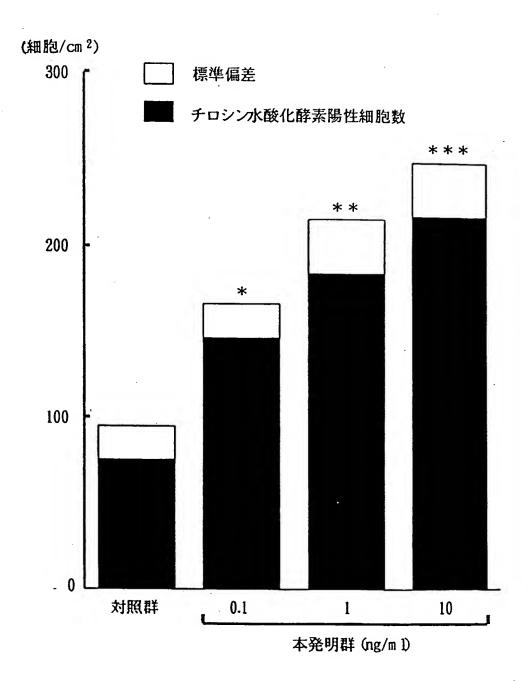
- 1 1. (a)配列番号:1で示されるアミノ酸配列の 蛋白質の34-318アミノ酸配列部分を含む発現物 及び(b)配列番号:1で示されるアミノ酸配列の蛋白質の34-318アミノ酸配列において1又は複数のアミノ酸が欠失、置換又は付加されたアミノ酸配列部分を含む発現物から選ばれる少なくとも1種の有効成分の、神経変性疾患治療剤の製造のための使用。
 - 1 2. 有効成分が配列番号:1で示されるアミノ酸配列の蛋白質の34-318アミノ酸配列の発現物である 請求項11に記載の使用。
- 13. 有効成分が配列番号:1で示されるアミノ酸配列 の蛋白質の34-318アミノ酸配列のC末端にヒス チジン6残基を結合させたものである請求項11に記載の使用。
- 14. 有効成分が配列番号:1で示されるアミノ酸配列の蛋白質の34-318アミノ酸配列のN末端にマルトース結合蛋白質を融合させた融合蛋白質である請求項11に記載の使用。
 - 15. パーキンソン病、アルツハイマー病、筋発育不全

性側索硬化症、ハンチントン病、脳梗塞、糖尿病性神経症及び外傷性神経変性疾患の治療剤の製造のための請求項11に記載の発現物の使用。

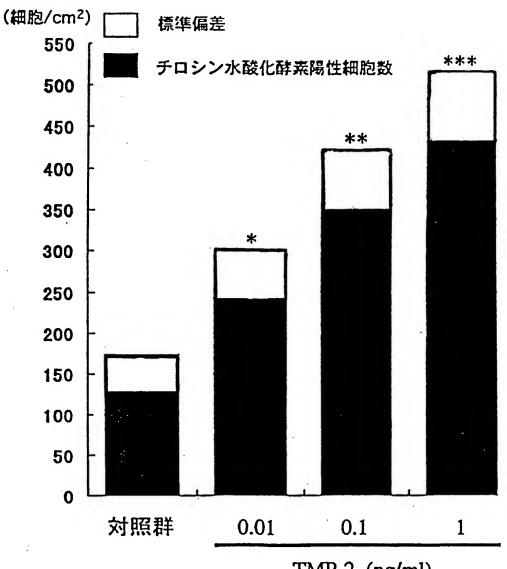
F I G. 1



F I G. 2



F I G. 3



TMP-2 (ng/ml)

SEQUENCE LISTING

							•	วะผูบเ	CNUE	LIS	11110				
<110)> 0s	tuka	a Pha	armad	ceuti	ical	Co.,	Lto	d.				*		
<120)> Ar	age	ent f	for 1	neuro	odege	enera	ative	e dis	sord	ers				
<130)> P9	99-42	2 .		•										
<160)> 12	2													
<170)> Pa	iten	t In V	ler.	2. 0										
<210)> 1					•									
<211	> 37	74													
<212	2> PF	RT													
<213	3> hu	ıman	embi	ryon	ic b	rain									
<400)> 1		•												
Met	Val	Leu	Trp	Glu	Ser	Pro	Arg	Gln	Cys	Ser	Ser	Trp	Thr	Leu	Cys
1			•	5					10					15	
Glu	Gly	Phe	Cys	Trp	Leu	Leu	Leu	Leu	Pro	Val	Met	Leu	Leu	Ile	Val
			20					25					30		
Ala	Arg	Pro	Val	Lys	Leu	Ala	Ala	Phe	Pro	Thr	Ser	Leu	Ser	Asp	Cys
		35					40					45			
Gln	Thr	Pro	Thr	Gly	Trp	Asn	Cys	Ser	Gly	Tyr	Asp	Asp	Arg	Glu	Asn
	50					55					60				
Asp	Leu	Phe	Leu	Cys	Asp	Thr	Asn	Thr	Cys	Lys	Phe	Asp	Gly	Glu	Cys
65		•			70					75					80
Leu	Arg	Ile	Gly	Asp	Thr	Val	Thr	Cys	Val	Cys	Gln	Phe	Lys	Cys	Asn
				85					90					95	
Asn	Asp	Tyr	Val	Pro	Val	Cys	Gly	Ser	Asn	Gly	Glu	Ser	Tyr	Gln	Asn
			100					105					110		
Glu	Cys	Tyr	Leu	Arg	Gln	Ala	Ala	Cys	Lys	Gln	Gln	Ser	Glu	Ile	Leu
		115					120					125			
Val	Val	Ser	Glu	Gly	Ser	Cys	Ala	Thr	Asp	Ala	Gly	Ser	Gly	Ser	Gly

	130					135					140				
Asp	Gly	Val	His	Glu	Gly	Ser	Gly	Glu	Thr	Ser	Gln	Lys	Glu	Thr	Ser
145					150		-			155					160
Thr	Cys	Asp	Ile	Cys	Gln	Phe	Gly	Ala	Glu	Cys	Asp	Glu	Asp	Ala	Glu
		•		165					170					175	
Asp	Val	Trp	Cys	Val	Cys	Asn	Ile	Asp	Cys	Ser	Gln	Thr	Asn	Phe	Asn
			180					185					190		
Pro	Leu	Cys	Ala	Ser	Asp	Gly	Lys	Ser	Tyr	Asp	Asn	Ala	Cys	Gln	Ile
		195					200					205			
Lys	Glu	Ala	Ser	Cys	Gln	Lys	Gln	Glu	Lys	Ile	Glu	Val	Met	Ser	Leu
	210					215					220				
Gly	Arg	Cys	Gln	Asp	Asn	Thr	Thr	Thr	Thr	Thr	Lys	Ser	Glu	Asp	Gly
225					230					235					240
His	Tyr	Ala	Arg	Thr	Asp	Tyr	Ala	Glu	Asn	Ala	Asn	Lys	Leu	Glu	Glu
*				245					250					255	
Ser	Ala	Arg	Glu	His	His	Ile	Pro	Cys	Pro	Glu	His	Tyr	Asn	Gly	Phe
			260					265					270		
Cys	Me t	His	Gly	Lys	Cys	Glu	His	Ser	Ile	Asn	Met	Gln	Glu	Pro	Ser
		275					280					285			
Cys	Arg	Cys	Asp	Ala	Gly	Tyr	Thr	Gly	Gln	His	Cys	Glu	Lys	Lys	Asp
	290					295					300				
Tyr	Ser	Val	Leu	Tyr	Val	Val	Pro	Gly	Pro	Val	Arg	Phe	Gln	Tyr	Val
305					310					315					320
Leu	Ile	Ala	Ala	Val	Ile	Gly	Thr	Ile	Gln	Ile	Ala	Val	He	Cys	Val
				325		•			330					335	
Val	Val	Leu	Cys	Ile	Thr	Arg	Lys	Cys	Pro	Arg	Ser	Asn	Arg	Ile	His
			340					345					350		
Arg	Gln	Lys	Gln	Asn	Thr	Gly	His	Tyr	Ser	Ser	Asp	Asn	Thr	Thr	Arg
		355					360					365			

Ala Ser Thr Arg Leu Ile 370

<210> 2

<211> 1122

<212> DNA

<213> human embryonic brain

<400> 2

60 atggtgctgt gggagtcccc gcggcagtgc agcagctgga cactttgcga gggcttttgc tggctgctgc tgctgcccgt catgctactc atcgtagccc gcccggtgaa gctcgctgct 120 180 ttccctacct ccttaagtga ctgccaaacg cccaccggct ggaattgctc tggttatgat 240 gacagagaaa aigatetett eetetgigae accaacacet giaaaitiga iggggaatgi ttaagaattg gagacactgt gacttgcgtc tgtcagttca agtgcaacaa tgactatgtg 300 360 cctgtgtgtg gctccaatgg ggagagctac cagaatgagt gttacctgcg acaggctgca 420 tgcaaacagc agagtgagat acttgtggtg tcagaaggat catgtgccac agatgcagga tcaggatctg gagatggagt ccatgaaggc tctggagaaa ctagtcaaaa ggagacatcc 480 540 acctgtgata titgccagii iggigcagaa igigacgaag aigccgagga igiciggigt 600 gtgtgtaata ttgactgttc tcaaaccaac ttcaatcccc tctgcgcttc tgatgggaaa tettatgata atgeatgeea aateaaagaa geategtgte agaaacagga gaaaattgaa 660 720 gtcatgtctt tgggtcgatg tcaagataac acaactacaa ctactaagtc tgaagatggg 780 cattatgcaa gaacagatta tgcagagaat gctaacaaat tagaagaaag tgccagagaa 840 caccacatac cttgtccgga acattacaat ggcttctgca tgcatgggaa gtgtgagcat 900 tctatcaata tgcaggagcc atcttgcagg tgtgatgctg gttatactgg acaacactgt 960 gaaaaaaagg actacagtgt tctatacgtt gttcccggtc ctgtacgatt tcagtatgtc ttaatcgcag ctgtgattgg aacaattcag attgctgtca tctgtgtggt ggtcctctgc 1020 1080 atcacaagga aatgccccag aagcaacaga attcacagac agaagcaaaa tacagggcac 1122 tacagticag acaatacaac aagagcgtcc acgaggttaa to

<211> 1721

<212> DNA

<213> human embryonic brain -

<220>

<221> CDS

<222> (368).. (1489)

65

<400> 3

ggactcccgt ctcctctgt cctccggctt cccagagctc cctccttatg gcagcagctt 120 cccgcgtctc cggcgcagct tctcagcgga cgaccctctc gctccggggc tgagccagtc 180 cctggatgtt gctgaaactc tcgagatcat gcgcgggttt ggctgctgct tccccgccgg 240 gtgccactgc caccgccgcc gcctctgctg ccgccgtccg cgggatgctc agtagcccgc 300 tgcccggccc ccgcgatcct gtgttcctcg gaagccgttt gctgctgcag agttgcacga 360 409 actagic atg gtg cig tgg gag tcc ccg cgg cag tgc agc agc tgg aca Met Val Leu Trp Glu Ser Pro Arg Gln Cys Ser Ser Trp Thr 1 5 10 ctt tgc gag ggc ttt tgc tgg ctg ctg ctg ccc gtc atg cta ctc 457 Leu Cys Glu Gly Phe Cys Trp Leu Leu Leu Leu Pro Val Met Leu Leu 20 15 25 ate gta gee ege eeg gtg aag ete get get tie eet ace tee tia agt 505 Ile Val Ala Arg Pro Val Lys Leu Ala Ala Phe Pro Thr Ser Leu Ser 35 40 45 gac tgc caa acg ccc acc ggc tgg aat tgc tct ggt tat gat gac aga 553 Asp Cys Gln Thr Pro Thr Gly Trp Asn Cys Ser Gly Tyr Asp Asp Arg 50 55 60 gaa aat gat ctc ttc ctc tgt gac acc aac acc tgt aaa ttt gat ggg 601 Glu Asn Asp Leu Phe Leu Cys Asp Thr Asn Thr Cys Lys Phe Asp Gly

70

75

ctgcggggcg ccttgactct ccctccaccc tgcctcctcg ggctccactc gtctgccct

													•			
649	aag	ttc	cag	tgt	gtc	tgc	ac t	gtg	ac t	gac	gga	att	aga	t t a	tgt	gaa
	Lys	Phe	Gln	Cys	Val	Cys	Thr	Val	Thr	Asp	Gly	Ile	Arg	Leu	Cys	Glu
					90					85					80	
697	tac	agc	gag	ggg	aat	tcc	ggc	tgt	gtg	cct	gtg	tat	gac	aat	aac	tgc
	Туг	Ser	Glu	Gly	Asn	Ser	Gly	Cys	Val	Pro	Val	Tyr	Asp	Asn	Asn	Cys
	110					105					100					95
745	gag	agt	cag	cag	aaa	tgc	gca	gc t	cag	cga	ctg	tac	tgt	gag	aat	cag
	Glu	Ser	Gln	Gln	Lys	Cys	Ala	Ala	Gln	Arg	Leu	Tyr	Cys	Glu	Asn	Gln
		125					120					115				
793	gga	t c a	gga	gca	gat	aca	gcc	tgt	tca	gga	gaa	tca	gtg	gtg	ctt	ata
	Gly	Ser	Gly	Ala	Asp	Thr	Ala	Cys	Ser	Gly	Glu	Ser	Val	Val	Leu	Ile
			140					135					130			
841	gag	aag	caa	agt	ac t	gaa	gga	tct	ggc	gaa	cat	gtc	gga	gat	gga	tct
	Glu	Lys	Gln	Ser	Thr	Glu	Gly	Ser	Gly	Glu	His	Val	Gly	Asp	Gly	Ser
				155					150					145		
889	gat	gaa	gac	tgt	gaa	gca	ggt	ttt	cag	tgc	at t	gat	tgt	acc	tcc	aca
	Asp	Glu	Asp	Cys	Glu	Ala	Gly	Phe	Gln	Cys	Ile	Asp	Cys	Thr	Ser	Thr
					170					165					160	
937	aac	acc	caa	t c t	tgt	gac	a t t	aat	tgt	gtg	tgt	tgg	gtc	gat	gag	gcc
•	Asn	Thr	Gln	Ser	Cys	Asp	Ile	Asn	Cys	Val	Cys	Trp	Val	Asp	Glu	Ala
	190					185					180					175
985	tgc	gca	aat	gat	tat	tct	aaa	ggg	gat	tct	gct	tgc	ctc	ccc	aat	ttc
	Cys	Ala	Asn	Asp	Tyr	Ser	Lys	Gly	Asp	Ser	Ala	Cys	Leu	Pro	Asn	Phe
		205					200					195				
1033	atg	gtc	gaa	att	aaa	gag	cag	aaa	cag	tgt	tcg	gca	gaa	aaa	atc	caa
	Met	Val	Glu	Ile	Lys	Glu	Gln	Lys	Gln	Cys	Ser	Ala	Glu	Lys	Ile	Gln
			220					215					210			
1081	gaa	tct	aag	act	act	aca	act	aca	aac	gat	caa	tgt	cga	ggt	ttg	t c t
	Glu	Ser	Lys	Thr	Thr	Thr	Thr	Thr	Asn	Asp	Gln	Cys	Arg	Gly	Leu	Ser
			_													

		225					230					235				
gat	ggg	cat	tat	gca	aga	aca	gat	tat	gca	gag	aat	gct	aac	aaa	tta	1129
Asp	Gly	His	Tyr	Ala	Arg	Thr	Asp	Tyr	Ala	Glu	Asn	Ala	Asn	Lys	Leu	
	240					245					250					
gaa	gaa	agt	gcc	aga	gaa	cac	cac	ata	c c t	tgt	ccg	gaa	cat	tac	aat	1177
Glu	Glu	Ser	Ala	Arg	Glu	His	His	Ile	Pro	Cys	Pro	Glu	His	Tyr	Asn	
255					260					265					270	
ggc	ttc	tgc	atg	cat	ggg	aag	tgt	gag	cat	tct	atc	aat	atg	cag	gag	1225
Gly	Phe	Cys	Me t	His	Gly	Lys	Cys	Glu	His	Ser	Ile	Asn	Me t	Gln	Glu	
•		•		275					280					285		
cca	tct	tgc	agg	tgt	gat	gct	ggt	tat	act	gga	caa	cac	tgt	gaa	aaa	1273
Pro	Ser	Cyș	Arg	Cys	Asp	Ala	Gly	Tyr	Thr	Gly	Gln	His	Cys	Glu	Lys	
			290					295					300			
aag	gac	tac	agt	gtt	cta	tac	gtt	gtt	ccc	ggt	cct	gta	cga	ttt	cag	1321
Lys	Asp	Tyr	Ser	Val	Leu	Tyr	Val	Val	Pro	Gly	Pro	Val	Arg	Phe	Gln	
		305					310					315				
tat	gtc	tta	atc	gca	gct	gtg	at t	gga	aca	att	cag	att	gc t	gtc	atc	1369
Tyr	Val	Leu	He	Ala	Ala	Val	Ile	Gly	Thr	He	Gln	Ile	Ala	Val	Ile	
	320					325					330					
tgt	gtg	gtg	gtc	ctc	tgc	atc	aca	agg	aaa	tgc	ccc	aga	agc	aac	aga	1417
Cys	Val	Val	Val	Leu	Cys	Ile	Thr	Arg	Lys	Cys	Pro	Arg	Ser	Asn	Arg	
335					340					345					350	
att	cac	aga	cag	aag	caa	aat	aca	ggg	cac	tac	agt	tca	gac	aat	aca	1465
Ile	His	Arg	Gln	Lys	Gln	Asn	Thr	Gly	His	Tyr	Ser	Ser	Asp	Asn	Thr	
				355					360	,				365		
aca	aga	gcg	tcc	acg	agg	tta	atc	taa	agg	gagc	atg	tttc	acag	tg		1512
Thr	Arg	Ala	Ser	Thr	Arg	Leu	He									
			370													
gc t	ggac	tac	cgag	agc t	tg g	acta	caca	a ta	cagt	atta	tag	acaa	aag	aata	agacaa.	1572

gagatetaca catgitgeet tge	cattiging glaatctaca	ccaatgaaaa	catgtactac	1632
agctatattt gattatgtat gga	ntatattt gaaatagtat	acattgtctt	gatgttttt	1692
ctgtaatgta aataaactat tta	itatcac			1721
				,
<210> 4				
<211> 31			•	•
<212> DNA				
<213> Artificial Sequence	?			
<400> 4				
tccggaattc cgcccggtga ago	ctcgctgc t			31
	•			
<210> 5				
<211> 33				
<212> DNA				
<213> Artificial Sequence	9			
<400> 5	•			-
gctcgtcgac ttactgaaat cgt	lacaggac cgg			33
<210> 6				
<211> 30				
<212> DNA				
<213> Artificial Sequence)			
<400> 6				
ctcatccata tgcgcccggt gaa	agctcgct			30
<210> 7				
⟨211⟩ 30				
<212> DNA				
<213> Artificial Sequence	.			

<400> 7	
gattaactcg agctgaaatc gtacaggacc	30
<210> 8	
<211> 59	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<400> 8	
tatgcgcccg gttaagctgg ctgctttccc gacctccctg agcgactgcc agactccca	59
<210> 9	
⟨211⟩ 61	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
⟨400⟩ 9	
ccggtgggag tctggcagtc gctcagggag gtcgggaaag cagccagctt aaccgggcgc	60
a	61
<210> 10	
<211> 23	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	
<400> 10	
gctagttatt gctcagcggt ggc	23
<210> 11	
<211> 30	
<212> DNA	
<213> Artificial Sequence	

catcgaatgg tgcaaaacct ttc

23

(400> 11	
gcctgccata tgcgcccggt taagctggct	30
(210> 12	
(211> 23	
(212> DNA	
(213> Artificial Sequence	
(400> 12	

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/JP99/04171

A. CLASS Int.	SIFICATION OF SUBJECT MATTER C1 A61K38/18 // C21N15/12, C	07K14/495						
According to	According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC							
	S SEARCHED							
Minimum d Int.	Minimum documentation searched (classification system followed by classification symbols) Int.Cl ⁶ A61K38/18 // C21N15/12, C07K14/495							
Documentat	ion searched other than minimum documentation to th	e extent that such documents are included	l in the fields searched					
Electronic d CAPL	Electronic data base consulted during the international search (name of data base and, where practicable, search terms used) CAPLUS (STN), SwissProt, PIR, GeneSeq							
C. DOCU	MENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT							
Category*	Citation of document, with indication, where ap	· ·	Relevant to claim No.					
Y	WO, 96/36709, A1 (GENOME SC 21 November, 1996 (21. 11. 9	IENCE INC.),	1-5, 11-15					
	Abstract; Page 20, lines 1 & EP, 826041, A1 & JP, 11-	to 18, 48, 49						
Y	WO, 91/02067, A1 (MAX PLANCE	K-GESELLSCHAFT ZUR	1-5, 11-15					
	FÖRDERUNG DER WISSENSCHFTEN), 21 February, 1991 (21. 02. 91),							
	Page 6, lines 4 to 29; Claims & EP, 484416, A & JP, 5-25056, A							
Y	CONNER, B. et al., The role of no in neurodegenerative disorder Brain Research Reviews, June pp.1-39, Page 17, left column, line 2	s of the human brain., 1998, Vol. 27, No. 1,	1-5, 11-15					
	. •							
× Furthe	er documents are listed in the continuation of Box C.	See patent family annex.						
	categories of cited documents: ent defining the general state of the art which is not	"T" later document published after the inter- date and not in conflict with the applica						
consider "E" earlier	red to be of particular relevance document but published on or after the international filing date	the principle or theory underlying the in "X" document of particular relevance; the cl	vention aimed invention cannot be					
cited to	ent which may throw doubts on priority claim(s) or which is establish the publication date of another citation or other	considered novel or cannot be considered when the document is taken alone						
"O" docume	reason (as specified) ent referring to an oral disclosure, use, exhibition or other	"Y" document of particular relevance; the cl considered to involve an inventive step	when the document is					
	ent published prior to the international filing date but later than prity date claimed	combined with one or more other such of being obvious to a person skilled in the "&" document member of the same patent fa	art					
Date of the a	actual completion of the international search eptember, 1999 (28. 09. 99)	Date of mailing of the international sea 12 October, 1999 (
	nailing address of the ISA/ nese Patent Office	Authorized officer						
Facsimile N	o.	Telephone No.						

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.
PCT/JP99/04171

		FC1/UP	99/041/1
C (Continua	tion). DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT		
Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relev	ant passages	Relevant to claim No
Y	JP, 5-161493, A (Max-Planck-Gesellschaf Förderung der Wissenschaften e.V.), 29 June, 1993 (29. 06. 93), Claims; page 24, right column, line 17 t left column, line 6 & WO, 91/03569, A & EP, 441947, A		1-5, 11-15
Y	JP, 9-308492, A (Otsuka Pharmaceutical C 2 December, 1997 (02. 12. 97), Par. Nos. [0231], [0341] & EP, 796913, A2 & US, 5831058, A	o., Ltd.),	1-5, 11-15
	•		
Ì	·		*
		·	
		•	
.			
ļ			
	•		
		:	

Form PCT/ISA/210 (continuation of second sheet) (July 1992)

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No. PCT/JP99/04171

Box I Observations where certain claims were found unsearchable (Continuation of item 1 of first sheet) This international search report has not been established in respect of certain claims under Article 17(2)(a) for the following reasons: 1. X Claims Nos.: 6 to 10 because they relate to subject matter not required to be searched by this Authority, namely: Claims 6 to 10 pertain to methods for treatment of the human body by therapy and thus relate to a subject matter which this International Searching Authority is not required, under the provisions of Article 17(2)(a)(i) of the PCT and Rule 39.1(iv) of the Regulation under the PCT, to search. 2. Claims Nos.: because they relate to parts of the international application that do not comply with the prescribed requirements to such an extent that no meaningful international search can be carried out, specifically: Claims Nos.: because they are dependent claims and are not drafted in accordance with the second and third sentences of Rule 6.4(a). Box II Observations where unity of invention is lacking (Continuation of item 2 of first sheet) This International Searching Authority found multiple inventions in this international application, as follows: As all required additional search fees were timely paid by the applicant, this international search report covers all searchable claims. As all searchable claims could be searched without effort justifying an additional fee, this Authority did not invite payment of any additional fee. As only some of the required additional search fees were timely paid by the applicant, this international search report covers only those claims for which fees were paid, specifically claims Nos.: No required additional search fees were timely paid by the applicant. Consequently, this international search report is restricted to the invention first mentioned in the claims; it is covered by claims Nos.: The additional search fees were accompanied by the applicant's protest. Remark on Protest No protest accompanied the payment of additional search fees.

A. 発明の属する分野の分類(国際特許分類 (IPC))

Int. Cl° A61K38/18//C21N15/12, C07K14/495

B. 調査を行った分野

調査を行った最小限資料 (国際特許分類 (IPC))

Int. Cl A61K38/18//C21N15/12, C07K14/495

最小限資料以外の資料で調査を行った分野に含まれるもの

国際調査で使用した電子データベース (データベースの名称、調査に使用した用語)

CAPLUS (STN), SwissProt, PIR, GeneSeq

C. 関連する	3と認められる文献	
引用文献の カテゴリー*	引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する
		請求の範囲の番号
Y	WO, 96/36709. A1 (GENOME SCIENCE INC.) 21. 11月. 1996 (21. 11. 96) Abstract、第20ページ第1-18行、第48-49行 &EP, 826041, A1&JP, 11-506908, A	1-5, 11-15
Y	WO, 91/02067, A1 (MAX PLANCK-GESELLSCHAFT ZUR FÖRDERUNG DERWISSENSCHFTEN) 21. 2月. 1991 (21.02.91.)第6ページ第4-29行、請求の範囲&EP, 484416, A&JP, 5-25056, A	1-5, 11-15

X C欄の続きにも文献が列挙されている。

- * 引用文献のカテゴリー
- 「A」特に関連のある文献ではなく、一般的技術水準を示す もの
- 「E」国際出願日前の出願または特許であるが、国際出願日 以後に公表されたもの
- 「L」優先権主張に疑義を提起する文献又は他の文献の発行 日若しくは他の特別な理由を確立するために引用する 文献(理由を付す)
- 「〇」口頭による開示、使用、展示等に言及する文献
- 「P」国際出願日前で、かつ優先権の主張の基礎となる出願

- の日の後に公表された文献
- 「T」国際出願日又は優先日後に公表された文献であって て出願と矛盾するものではなく、発明の原理又は理 論の理解のために引用するもの
- 「X」特に関連のある文献であって、当該文献のみで発明 の新規性又は進歩性がないと考えられるもの
- 「Y」特に関連のある文献であって、当該文献と他の1以 上の文献との、当業者にとって自明である組合せに よって進歩性がないと考えられるもの
- 「&」同一パテントファミリー文献

国際調査を完了した日 28.09.99 国際調査報告の発送日 12.10.99 国際調査機関の名称及びあて先 日本国特許庁(ISA/JP) 郵便番号100-8915 東京都千代田区霞が関三丁目4番3号 電話番号 03-3581-1101 内線 3452

国際出願番号 PCT/JP99/04171

C(続き).	関連すると認められる文献	
引用文献の カテゴリー*	引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する 請求の範囲の番号
Υ .	CONNER, B. et al, The role of neuronal growth facteors in neurodegenerative disorders of the human brain., Brain Research Reviews, June 1998, Vol. 27, No. 1, pp. 1-39, 第17ページ左欄第29行一右欄第2行	1-5, 11-15
Y	JP, 5-161493, A (マックス・プランク・ゲゼルシャフト・ツール・フェルデルング・デル・ヴィッセンシャフテン・アインゲトラーゲナー・フェルアイン) 29.6月.1993 (29.06.93) 特許請求の範囲、第24ページ右欄第17行-第26ページ左欄第6行 &WO,91/03569, A&EP, 441947, A	1-5, 11-15
Υ .	JP, 9-308492, A (大塚製薬株式会社) 02. 12月. 1997 (02. 12. 97) 【0231】、【0341】 &EP, 796913, A2&US, 5831058, A	1-5, 11-15

第1欄 法第8条 成しなか	請求の範囲の一部の調査ができないときの意見(第1ページの2の続き) 会第3項(PCT17条(2)(a))の規定により、この国際調査報告は次の理由により請求の範囲の一部について作いった。
1. X	請求の範囲 6-10 は、この国際調査機関が調査をすることを要しない対象に係るものである。 つまり、
	請求の範囲 6-10は治療による人体の処置方法に関するものであって、PCT17条(2)(a)(i)及びPCT規則39.1(iv)の規定により、この国際調査期間が調査をすることを要しない対象に係るものである。
2.	請求の範囲は、有意義な国際調査をすることができる程度まで所定の要件を満たしていない国際出願の部分に係るものである。つまり、
3.	請求の範囲は、従属請求の範囲であってPCT規則6.4(a)の第2文及び第3文の規定に 従って記載されていない。
第□欄	発明の単一性が欠如しているときの意見 (第1ページの3の続き)
次に対	述べるようにこの国際出願に二以上の発明があるとこの国際調査機関は認めた。
	-
	;
1.	出願人が必要な追加調査手数料をすべて期間内に納付したので、この国際調査報告は、すべての調査可能な請求 の範囲について作成した。
2.	追加調査手数料を要求するまでもなく、すべての調査可能な請求の範囲について調査することができたので、追 加調査手数料の納付を求めなかった。
3.	出願人が必要な追加調査手数料を一部のみしか期間内に納付しなかったので、この国際調査報告は、手数料の納付のあった次の請求の範囲のみについて作成した。
4. []	出願人が必要な追加調査手数料を期間内に納付しなかったので、この国際調査報告は、請求の範囲の最初に記載されている発明に係る次の請求の範囲について作成した。
追加調金	至手数料の異議の申立てに関する注意
] 追加調査手数料の納付と共に出願人から異議申立てがなかった。